

FICHAMENTO

- Um HMM é um grafo de estados conectados onde cada estado potencialmente emite uma série de observações.
- O processo evolui frequentemente em uma dimensão, mas não obrigatoriamente apresenta este padrão.
- O modelo é parametrizado com a probabilidade do estado $t+1$, dado que é conhecido o estado prévio.
- Os pressupostos de Markov são usados para “truncar” a dependência de se conhecer a história completa da passagem pelos estados na cadeia.
- Duas perguntas interessantes que podem ser feitas são:
 - Para uma sequência observada fornecida qual modelo é mais verossímil para explicar os dados?
 - Para uma sequência e um modelo fornecido qual é a reconstrução mais verossímil da via através dos estados?
- Modelos podem ser aprendidos dos dados em que parâmetros são estimados por técnicas de Maximização das Expectativas.
- Uma vantagem de se modelar eventos biológicos com HMM é que se acomodam naturalmente variações no tamanho das sequências.
- HMM de perfil fornecem um consenso aprendidos dos dados analisados.
- É possível proceder uma penalização de lacunas durante a construção de um perfil, por meio do uso de probabilidades baseadas em parametrização.